

ПРИЛОЖЕНИЕ



Рис. П1. Снимки экрана, полученные из геномного браузера Zenbu (FANTOM5 hg38 human promoterome view.12 (modified)), показывающие результаты анализа FANTOM5 CAGE phase 1and2 human hg38 (q20 TPM) для *ASDURF-ASNSD1* (A), *SLC35A4URF-SLC35A4* (B) и *MIURF-MIEF1* (C) геномных локусов. Сайты старта транскрипции и AUG-кодоны белок-кодирующих открытых рамок считывания отмечены на диаграммах под каждым рисунком